

Fig. 1**SEQ ID NO: 1**

TCCTGGTCATCGATGTCATCCACGAGGTGGCCACAGTTGGTTCGGCAACGC
TGTCACCAACGCCACGTGGGAAGAGATGTGGCTGAGCGAGGGCCTGGCCACC
TATGCCCAGCGCCGTATCACCACCGAAACCTACGGTGCTGCCTTCACCTGCC
TGGAGACTGCCTTCCGCCTGGACGCCCTGCACCGGCAGATGAAGCTTCTGGG
AGAGGACAGCCCGGTGAGCAAACTGCAGGTCAAGCTGGAGCCAGGAGTGAAT
CCCAGCCACCTGATGAACCTGTTACCTACGAGAAGGGCTACTGCTTCGTGT
ACTACCTGTCCCAGCTCTGCGGAGACCCACAGCGCTTTGATGACTTTCTCCG
AGCCTATGTGGAGAAGTACAAGTTCACCAGCGTGGTGGCCAGGACCTGCTG
GACTCCTTCCTGAGCTTCTTCCCGGAGCTGAAGGAGCAGAGCGTGGACTGCC
GGGCAGGGCTGGAATTCGAGCGCTGGCTCAATGCCACAGGCCCGCCGCTGGC
TGAGCCGGACCTGTCTCAGGGATCCAGCCTGACCCGGCCCGTGGAGGCCCTT
TTCCAGCTGTGGACCGCAGAACCTCTGGACCAGGCAGCTGCCTCGGCCAGCG
CCATTGACATCTCCAAGTGGAGGACCTTCCAGACAGCACTCTTCCTGGACCG
GCTCCTGGATGGGTCCCCGCTGCCGCAGGAGGTGGTGATGAGCCTGTCCAAG
TGCTACTCCTCCCTGCTGGACTCGATGAACGCTGAGATCCGCATCCGCTGGC
TGCAGATTGAGGTCCGCAACGACTACTATCCTGACCTCCACAGGGTGCGGCG
CTTCCTGGAGAGCCAGATGTCACGCATGTACACCATCCCGCTGTACGAGGAC
CTCTGCACCGGTGCCCTCAAGTCCTTCGCGCTGGAGGTCTTCTACCAGACGC
AGGGCCGGCTGCACCCCAACCTGCGCAGAGCCATCCAGCAGATCCTGTCCCA
GGGCCTGGGCTCCAGCACAGAGCCCGCCTCAGAGCCAGCACGGAGCTGGGC
AAGGCTGAAGCAGACACAGACTCGGACGCACAGGCCCTGCTGCTTGGGGACG
AGGCCCCCAGCAGTGCCATCTCTCTCAGGACGTCAATGTGTCTGCCTAGCC
CTGTTGGCGGGCTGACCCTCGACCTCCAGACACCACAATTGTGCCTTCTGT
GGGCCAGGCCTGCCATGACTGCGTCTCGGCTCTGGCCATGAGCTCTGCCCAG
GCCACAAGCCCCTCCCCTGGGCTCTCCCAGGCAGGGAGAATGGGGAGAGGG
ACCTCCTTGTGTCTGGCAGAGACCTGTGGACCTGGCCTCCCCACTCCCAGCT
CTCTTGCACTGCAGGCCCTGGGGCCAGCCCGCACACACCATGCCTCCTGTCT
CAACACTGACAGCTGTGCCTAGCCCCGGATGCCAGCACCTGCCAGGTGCCGC
CCCGGGGCAAGGGCCCCAGCAGCCCTATGGTGACCGCCACACTGTGCCTTAA

TGTCTGCCGGGGGGCCAGGCTGTGCTGTCCCTGCAGCACGCCTCCTTGCAAGG
GATCTGAGCCACCCTCCCGCACAGCCCTGCACCCCGCCCCTGGGGTTGGCA
GCCTCAGTTGGCCCCTGGCAGAGGAACAAGGACACAGACATTCCCTCAGTGT
GGGGGGCAGGGGACACAGGGAGAGGATGGTTGTCCCTGGGGAGGGCCCTCTG
GCCCCAGGCAACCTTAGCCCTCAGAACAGGGAGTCCCAGGACCCAGGGAGA
GTGTGGGGACAGGACAGCCTGTCTCTTGTAGCTTCCTGGGGTGGGAGGCACA
GGGGCAAAGCAATACCCAGGGAAAGTGGGAGGTGGTGCTGGTGCTCTCTCC
AGGCCACCATGCTGGGAGAGGCGGCCAGAGCCTGGGGCCTCCAGCCTGGGA
CTGCTGTGATGGGGTATCACGGTGATGGTCCCATTAACCTTCCACTCTGCAA
ACCTG

Fig. 2**SEQ ID NO: 2**

MWLSEGLATYAQRRITTE TYGAAFTCLETAFRLDALHRQMKLLGEDSPVSKL
QVKLEPGVNP SHLMNLFTYEKGYCFVYYLSQLCGDPQRFDDFLRAYVEKYKF
TSVVAQDLLDSFLSFFPELKEQSVD CRAGLEFERWLNATGPPLAEPDLSQGS
SLTRPVEALFQLWTAEP LDQAAASAS AIDISKWRTFQTALFLDRLLDGSPLP
QEVVMSLSKCYSSLLDSMNAEIRIRWLQIEVRNDYYPDLHRVRRFLESQMSR
MYTIPLYEDLCTGALKSFAL EVFYQTQGR LHPNLRRAIQQILSQGLGSSTEP
ASEPSTELGKAEADTDSDAQALLLGDEAPSSAISLRD VNVSA

Fig. 3**SEQ ID NO: 3**

5' -GGTCCGCAACGACTACTATCCT-3'

Fig. 4**SEQ ID NO: 4**

5' -TGGTGTACATGCGTGACATCTG-3'

Fig. 5

SEQ ID NO: 5

5' -CTCCACAGGGTGCGGCGCTTC-3'